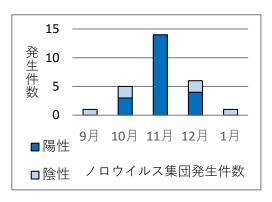
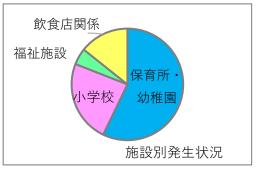
## 今シーズンのノロウイルス検出状況

昨年11月にセンターだよりで、ノロウイルスGII.2による集団発生が多数起きていることを報告しました。今回は、その後の解析結果について報告します。

今シーズン(2016年9月~)は、現在までに27例の集団感染、食中毒事例(疑い事例も含む)の検査を実施しました。そのうち21例はノロウイルス GIIが原因であり、遺伝子型解析の結果、20例がGII.2とわかりました(残り1例は解析中)。施設別の発生状況では、福祉施設や飲食店関係など成人間からの発生も一部ありましたが、保育所・幼稚園、小学校からの発生が多く、全体の8割を占めていました。国内でのGII.2の検出は、2007/2008~2013/2014シーズンまで、比較的多く検出されていましたが、2014/2015シーズンは、ほとんど検出がありませんでした。そのため、低年齢層はGII.2に感受性を示す者が多かったと考えられます。





ノロウイルスの遺伝子型解析は、通常 300 塩基ほどの塩基配列を解析していますが、今シーズン流行した GII.2 については、解析領域を拡大し、およそ 3000 塩基の塩基配列の解析を行いました。得られた塩基配列ついて、近年他府県で検出された GII.2 を参照株とし、系統樹解析を実施した結果、これまでとは異なるクラスターを形成しました。また、茨城県や川崎市は、今シーズンの GII.2 は、これまでとは遺伝的性状が異なる変異株である可能

性を示唆しており、本県で検出している G II.2 も 同様の変異株である可能性が高いと考えられます。

ノロウイルスは、変異すると流行を引き起こ し、社会に大きな影響を及ぼします。そのため、 今後も迅速なノロウイルスの流行状況把握に努 め、情報提供を行いたいと考えています。



◆IASR ノロウイルス等検出状況 http://www.nih.go.jp/niid/ja/iasr-noro.html